

生物多様性影響評価検討会での検討の結果

名称：除草剤ジカンバ、グルホシネート及びグリホサート耐性並びにチョウ目害虫抵抗性ワタ(改変 *dmo*, *bar*, 改変 *cp4 epsps*, 改変 *cry1Ac*, 改変 *cry2Ab2*, *Gossypium hirsutum* L.)(MON88701 × 15985 × MON88913, OECD UI: MON-88701-3 × MON-15985-7 × MON-88913-8)(MON88701, 15985 及び MON88913 それぞれへの導入遺伝子の組合せを有するものであって当該ワタから分離した後代系統のもの(既に第一種使用規程の承認を受けたものを除く。)を含む。)

第一種使用等の内容：食用又は飼料用に供するための使用、加工、保管、運搬及び廃棄並びにこれらに付随する行為

申請者：日本モンサント株式会社

(1) 生物多様性影響評価の結果について

除草剤ジカンバ、グルホシネート及びグリホサート耐性並びにチョウ目害虫抵抗性ワタ(以下「本スタック系統」という。)

改変 DMO 蛋白質をコードする改変 *dmo* 遺伝子及び PAT 蛋白質をコードする *bar* 遺伝子が導入された除草剤ジカンバ及びグルホシネート耐性ワタ(MON88701)、

改変 Cry1Ac 蛋白質をコードする改変 *cry1Ac* 遺伝子、改変 Cry2Ab2 蛋白質をコードする改変 *cry2Ab2* 遺伝子、GUSE377K 蛋白質をコードする改変 *uidA* 遺伝子及び NPT II 蛋白質をコードする *npt* 遺伝子が導入されたチョウ目害虫抵抗性ワタ(15985)、

改変 CP4 EPSPS 蛋白質をコードする改変 *cp4 epsps* 遺伝子が導入された除草剤グリホサート耐性ワタ(MON88913)、

を用いて、交雑育種法により作出されたものである。

本スタック系統に導入された遺伝子により産生する各 Bt 蛋白質(改変 Cry1Ac 蛋白質及び改変 Cry2Ab2 蛋白質)は、標的害虫に対して特異的に作用し、独立して殺虫活性を示すと考えられ、互いに影響を及ぼし合うことによる相乗効果や拮抗作用生じることはないと考えられた。Bt 蛋白質には酵素活性が無いため、宿主の代謝系を変化させる可能性は低いと考えられた。また、除草剤耐性蛋白質である改変 DMO 蛋白質、PAT 蛋白質、改変 CP4 EPSPS 蛋白質及び選抜マーカー蛋白質である GUSE377K、NPT II 蛋白質は高い基質特異性を有し、関与する代謝経路も互い独立していることから、宿主の代謝系を変化させたり、予期しない代謝物が生じたりする可能性は低いと考えられた。

これらのことから、各親系統由来であるこれらの蛋白質が、本スタック系統の植物体内において相互作用を示す可能性は低く、親系統が有する形質を合わせ持つ以外に評価すべき形質の変化はないと考えられた。

なお、各親系統の次に掲げる評価項目については検討が既に終了*しており、当該検討の結果、各親系統を第一種使用規程に従って使用した場合、我が国における生物多様性に影響が生ずるおそれはないとした生物多様性影響評価書の結論は妥当であると判断されている。

(ア)競合における優位性

(イ)有害物質の産生性

(ウ)交雑性

* 各親系統の検討の結果は以下より閲覧可能

- MON88701
http://www.bch.biodic.go.jp/download/lmo/public_comment/H25_11_5.gakushikiiken2.pdf
- 15985
https://ch.biodic.go.jp/bch/OpenDocDownload.do?info_id=95&ref_no=2
- MON88913
https://ch.biodic.go.jp/bch/OpenDocDownload.do?info_id=683&ref_no=2

(2)生物多様性影響評価を踏まえた結論

以上より、本スタック系統を第一種使用規程に従って使用した場合に、我が国における生物多様性に影響が生ずるおそれはないとした生物多様性影響評価書の結論は妥当であると判断した。